



[illegible]

Dc	1441	TATSAAGATATATACCGGACATACCGGACAAATCCAAATGAAAGGATAGCTTTGAAGCA	156
Qy	1501	TTTATGAAACATTAATAATTTTGAAAGAAACAGTGTAAAGCTTAAGAGCTATACAGCAA	156
Db	1501	TTTATGAAACCATTAATAATTTTGAAAGAAACAGTGTAAAGCTTAAGAGCTATACAGCAA	156
Qy	1561	GATGACATGAAAGATTAAACCTGAAGGACATGAGAAATAAATAAAGGATTATGAT	162
Db	1561	GATGACATGAAAGATTAAACCTGAAGGACATGAGAAATAAATAAAGGATTATGAT	162
Qy	1621	ATTATGATTAAGTTGAAGCTTCGATTCAGTGAATTATGACATGAGAAAGATTGAAA	168
Db	1621	ATTATGATTAAGTTGAAGCTTCGATTCAGTGAATTATGACATGAGAAAGATTGAAA	168
Qy	1681	GAAAGCTTAAGAGACAGGACAGTGTGATGCTGAGAAATTGACAACTGATGATTCGAT	174
Db	1681	GAAAGCTTAAGAGAGACAGGACAGTGTGATGCTGAGAAATTGACAACTGATGATTCGAT	174
Qy	1741	AAACAGACCTTATTCAGCTGAAAGACAGAGACAGCAATATTTATGCTGATTGATA	180
Db	1741	AAACAGACCTTATTCAGCTGAAAGACAGAGACAGCAATATTTATGCTGATTGATA	180
Qy	1801	AAAGGTGTTCGAGCAAAAGAAATTGAACGATGCTGGCAATGAAACCTGAACAGCA	186
Db	1801	AAAGGTGTTCGAGCAAAAGAAATTGAACGATGCTGGCAATGAAACCTGAACAGCA	186
Qy	1861	TATTCACATGGTGAAGATATGAAGATTGCTGATATGATGAGAGACATGGAATGTT	192
Db	1861	TATTCACATGGTGAAGATATGAAGATTGCTGATATGATGAGAGACATGGAATGTT	192
Qy	1921	GGAAGACAGCAACCGAAGCAAAAGCTGGAAGAACTTTGGAGAGAGAGAGATATGCTTTT	198
Db	1921	GGAAGACAGCAACCGAAGCAAAAGCTTGAAGAACTTTGGAGAGAGAGATATGCTTTT	198
Qy	1981	GTTGTCCGAGAGACATGAACACAGGCTGTGATGATGCTTTATGATGAGAGAGAGCA	204
Db	1981	GTTGTCCGAGAGAGATGAACACAGGCTGTGATGATGCTTTATGATGAGAGAGAGCA	204
Qy	2041	GTAAGGATTTGTGTGATTAACAAACAGGCAATGGTATAGGCTTTGCTGACCTGATAC	210
Db	2041	GTAAGGATTTGTGTGATTAACAAACAGGCAATGGTATAGGCTTTGCTGACCTGATAC	210
Qy	2101	TGTGTACACCTCTCTGAAAGAAATGGTGTGATATGATGATGATGCTTTGTGACAGC	216
Db	2101	TGTGTACACCTCTCTGAAAGAAATGGTGTGATATGATGATGATGCTTTGTGACAGC	216
Qy	2161	AAAGCATCTCCCTAAATGACATGAGATGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	222
Db	2161	AAAGCATCTCCCTAAATGACATGAGATGAGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	222
Qy	2221	GCTTACTTTGAGAGCTGTCCCTGGAGATTAGAGCAACCTGAGAGCTGTGAGAGAG	228
Db	2221	GCTTACTTTGAGAGCTGTCCCTGGAGATTAGAGCAACCTGAGAGCTGTGAGAGAG	228
Qy	2281	GCTCTCTCCAGCTTATATGATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	234
Db	2281	GCTCTCTCCAGCTTATATGATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATG	234
Qy	2341	GAGACTAGAGCTTTCTTTGACAAAAAGAAAGTGGAGAAATATGATGATGATGATG	240
Db	2341	GAGACTAGAGCTTTCTTTGACAAAAAGAAAGTGGAGAAATATGATGATGATGATG	240
Qy	2401	TGATGACACACCTTCTTAAGCTGAGAGCTGATGCTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTGGT	246
Db	2401	TGATGACACACCTTCTTAAGCTGAGAGCTGATGCTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTGGT	246
Qy	2461	TTTATTTAAAGCTAAACATATGACATTAAGAGAGAAAGAAATGTAAGATTTGGT	252
Db	2461	TTTATTTAAAGCTAAACATATGACATTAAGAGAGAAAGAAATGTAAGATTTGGT	252
Qy	2521	GTCAGAGACAAAGAGAGCTTAAACATGAGAGCTGATGATGATGATGATGATGATG	258
Db	2521	GTCAGAGACAAAGAGAGCTTAAACATGAGAGCTGATGATGATGATGATGATGATG	258



QY 541 TGTATACACCCCTCCGTGACCTTGGAATGATGATGTCAGTCGTTTGGCTGAGCTTTC 600  
DB 541 TGTGATACACCCCTCCGTGACCTTGGAATGATGATGTCAGTCGTTTGGCTGAGCTTTC 600  
QY 601 AAACGCTATCTCTGAGCTTACCAATCTCTGATCCAGACGCTTTACAGTGAATG 660  
DB 601 AAACGCTATCTCTGAGCTTACCAATCTCTGATCCAGACGCTTTACAGTGAATG 660  
QY 661 ATTTCTTTAGCTCCAGAGTACAAAGCTCCAGAGATATTTCAGCTATTGAAGCTT 720  
DB 661 ATTTCTTTAGCTCCAGAGTACAAAGCTCCAGAGATATTTCAGCTATTGAAGAGCTT 720  
QY 721 ATTAGTCCCTAGCATTACCTCATGATTTGGCTTACGCTTCACTATTGTTAAACAT 780  
DB 721 ATTAGTCCCTAGCATTACCTCATGATTTGGCTTACGCTTCACTATTGTTAAACAT 780  
QY 781 TTCTTCAAGCTCTCTCAAAAGCTCCAGCAAAATCTGTTGAATGCAAGAGTACTCTCGAA 840  
DB 781 TTCTTCAAGCTCTCTCAAAAGCTCCAGCAAAATCTGTTGAATGCAAGAGTACTCTCGAA 840  
QY 841 ATTTTCAGCCCTATGCTTTTCAGATTTTCAGAGGACCTCTGATTAATCTGAAAACTC 900  
DB 841 ATTTTCAGCCCTATGCTTTTCAGATTTTCAGAGGACCTCTGATTAATCTGAAAACTC 900  
QY 901 ATAAAAGTATGAAATTTTATCTCAACTGATGATGAAAGACAGCCCTGACACGCA 960  
DB 901 ATAAAAGTATGAAATTTTATCTCAACTGATGATGAAAGACAGCCCTGACACGCA 960  
QY 961 CTGCTCTCTAAACCAACCACTCTACTGAGCCAAACAGGTATGATTAACATATG 1020  
DB 961 CTGCTCTCTAAACCAACCACTCTACTGAGCCAAACAGGTATGATTAACATATG 1020  
QY 1021 TCTTTCACAAATGCTGAAATGCTACTGAGGAGATCTCTGAGGAGAAAGTAAAGTAAA 1080  
DB 1021 TCTTTCACAAATGCTGAAATGCTACTGAGGAGATCTCTGAGGAGAAAGTAAAGTAAA 1080  
QY 1081 CTTGAGATACAGCAGACGAGACCTTTTGTAGAGATGCTTACTTAAATGATGAT 1140  
DB 1081 CTTGAGATACAGCAGACGAGACCTTTTGTAGAGATGCTTACTTAAATGATGAT 1140  
QY 1141 GATTAATCTTACACTAAAGAAAGGAGGAAATTAACAAATTAATCAAAATTTTCATCGA 1200  
DB 1141 GATTAATCTTACACTAAAGAAAGGAGGAAATTAACAAATTAATCAAAATTTTCATCGA 1200  
QY 1201 GATGGAATATGCTTCTGACCATTAACCTTCAGTCTGCTGATTAATTAAC 1260  
DB 1201 GATGGAATATGCTTCTGACCATTAACCTTCAGTCTGCTGATTAATTAAC 1260  
QY 1261 CATTAATGAAATGATTTCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1320  
DB 1261 CATTAATGAAATGATTTCTTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1320  
QY 1321 CGAGATCCAAATACCAAGAGATCAAGTTGCAAGAAAGATTAATTAAGCTGAGG 1380  
DB 1321 CGAGATCCAAATACCAAGAGATCAAGTTGCAAGAAAGATTAATTAAGCTGAGG 1380  
QY 1381 AAAAATTAACATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1440  
DB 1381 AAAAATTAACATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1440  
QY 1441 TATGAGATATACCGGACATCCAGAGAAATCCAAATGAAAAAGACGATTTGAAGCA 1500  
DB 1441 TATGAGATATACCGGACATCCAGAGAAATCCAAATGAAAAAGACGATTTGAAGCA 1500  
QY 1501 TTTAATGAAGCATTAATAATTTTGAAGACGTCGACCAAGAGCGGTATAGCAAA 1560  
DB 1501 TTTAATGAAGCATTAATAATTTTGAAGACGTCGACCAAGAGCGGTATAGCAAA 1560  
QY 1561 GAATACATGAAAAAGTTTAAAGCTGAAGCAATGAAGAAATATCAAAAGATTAATCAT 1620  
DB 1561 GAATACATGAAAAAGTTTAAAGCTGAAGCAATGAAGAAATATCAAAAGATTAATCAT 1620

QY 1621 AATTATGATTAAGTTTAAAGCTGATGATGATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1680  
DB 1621 AATTATGATTAAGTTTAAAGCTGATGATGATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1680  
QY 1681 GAAGACTTGAAGAAAGCAAGGAGCTGATGATGATGATTAATTAATTAATTAATTAAT 1740  
DB 1681 GAAGACTTGAAGAAAGCAAGGAGCTGATGATGATGATTAATTAATTAATTAATTAAT 1740  
QY 1741 AAACAGACCTTATCCAGCTGAGAAAGACGAGACCAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1800  
DB 1741 AAACAGACCTTATCCAGCTGAGAAAGACGAGACCAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1800  
QY 1801 AAAGTGTGAGTAAAGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1860  
DB 1801 AAAGTGTGAGTAAAGAAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1860  
QY 1861 TATTCACTGAGTGAAGATGATGATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1920  
DB 1861 TATTCACTGAGTGAAGATGATGATGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 1920  
QY 1921 GGAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCA 1980  
DB 1921 GGAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCA 1980  
QY 1981 CTTGCTCCGAGAGAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2040  
DB 1981 CTTGCTCCGAGAGAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2040  
QY 2041 GTAAAGCAATTTGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2100  
DB 2041 GTAAAGCAATTTGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2100  
QY 2101 TTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2160  
DB 2101 TTTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2160  
QY 2161 AAGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2220  
DB 2161 AAGCAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2220  
QY 2221 GATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2280  
DB 2221 GATTAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2280  
QY 2281 GCTGCTCCAGAGAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2340  
DB 2281 GCTGCTCCAGAGAGATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAATTAAT 2340  
QY 2341 GGAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2400  
DB 2341 GGAATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2400  
QY 2401 TATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2460  
DB 2401 TATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2460  
QY 2461 TTAATTAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCA 2520  
DB 2461 TTAATTAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCA 2520  
QY 2521 GTGAGAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCA 2580  
DB 2521 GTGAGAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCA 2580  
QY 2581 GGTGAGAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCA 2640  
DB 2581 GGTGAGAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCAAGCA 2640  
QY 2641 AAGTTTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2700  
DB 2641 AAGTTTGTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT 2700  
QY 2701 GAT 2760











Quantity Matched	99.68%	Score 3357.6	DB 1	Length 3372
Percent Local Similarity	99.78%	Prod No 0		
Matches 1463	conservative 0	Mismatches 9	Indels 0	Gaps 0

  

0Y	1	A A A C T A A G T T A A T T T T G A T G T A A T T T G A A C T A T A G A G T G T T A A C C C A T A T	60
0b	3472	T T A A A C T A A G T T A A T T T T G A T G T A A T T T G A A C T A T A G A G T G T T A A C C C A T A T	3313

QY	1981	CTTCGACATACACACACCTTTTGTATACAGATGCTTATCTAAATTCATAT	1146
25 <td>2292 <td>CTTTCACATATACACACACCTTTTGTATACAGATGCTTATCTAAATTCATAT <th>2233</th> </td></td>	2292 <td>CTTTCACATATACACACACCTTTTGTATACAGATGCTTATCTAAATTCATAT <th>2233</th> </td>	CTTTCACATATACACACACCTTTTGTATACAGATGCTTATCTAAATTCATAT <th>2233</th>	2233





[illegible][illegible]

RESULT 7  
US-08-539-005-1  
; Sequence 1, Affiliation: 0570653005  
; Patent No. 5858686

APPLICANT: Schlosinger, Joseph  
 APPLICANT: Skolnick, Edward Y.  
 APPLICANT: Marquis, Benjamin L.  
 TITLE OF INVENTION: NOVEL EXPRESSION CLONING METHOD FOR  
 TITLE OF INVENTION: IDENTIFYING TARGET PROTEINS FOR ENDOGENOUS  
 TITLE OF INVENTION: KINASES AND NOVEL TARGET PROTEINS

1 APPLICANT: SKOLNICK, Joseph  
 2 APPLICANT: Skolnick, Edward Y.  
 3 APPLICANT: Martellis, Benjamin L.  
 4 TITLE OF INVENTION: NOVEL EXPRESSION CLONING METHOD FOR  
 5 TITLE OF INVENTION: IDENTIFYING TARGET PROTEINS FOR ENHANCING TYROSINE  
 6 TITLE OF INVENTION: KINASES AND NOVEL TARGET PROTEINS  
 7 NUMBER OF SEQUENCES: 10  
 8 CORRESPONDENCE ADDRESS:  
 9 ADDRESSEE: PENNIE & EDWARDS  
 10 STREET: 1155 Avenue of the Americas  
 11 CITY: New York  
 12 STATE: New York  
 13 COUNTRY: 10036, 2711  
 14 211: 10036, 2711  
 15 COMPUTER READABLE FORM:  
 16 MEDIUM TYPE: Floppy disk  
 17 COMPUTER: IBM PC compatible  
 18 OPERATING SYSTEM: PC DOS/MS-DOS  
 19 SOFTWARE: Patent Release #1.0, Version #1.30  
 20 CURRENT APPLICATION DATA:  
 21 APPLICATION NUMBER: US/09/539,005  
 22 FILING DATE: 4 OCT 1995  
 23 CLASSIFICATION: 435  
 24 PRIOR APPLICATION DATA:  
 25 APPLICATION NUMBER: US 08/167,035  
 26 FILING DATE: 16 DEC 1993  
 27 CLASSIFICATION: 435  
 28 ATTORNEY/AGENT INFORMATION:  
 29 NAME: CORREZZI, LAURA A.  
 30 REGISTRATION NUMBER: 30,742  
 31 REFERENCE/FILE NUMBER: 7693 05.2  
 32 TELECOMMUNICATION INFORMATION:  
 33 TELEPHONE: (212) 790 9090  
 34 TELEFAX: (212) 869 9741/8864  
 35 TELEX: 66141 PENNIE  
 36 INFORMATION FOR SEQ. ID NO. 1:  
 37 SEQUENCE CHARACTERISTICS:  
 38 LENGTH: 1472 base pairs  
 39 TYPE: nucleic acid  
 40 STRANDEDNESS: double  
 41 TOPOLOGY: unknown  
 42 MOLECULE TYPE: cDNA  
 43 FEATURE:  
 44 NAME/KEY: CDS  
 45 LOCATION: 41..2214  
 46 REF: 08 539,005 1

[illegible][illegible]

















[illegible]

Search completed. April 17, 2004, 11:47:06  
Job time : 189 secs

.

.